

Rapport de notification immédiate

Référence du rapport : REF OIE 16759, Date du rapport: 16/12/2014, Pays : Etats-Unis d'Amérique

Résumé du rapport

| | | | |
|---------------------------------------|---|------------------------------|------------------------------|
| Nom de l'expéditeur du rapport | Dr John Clifford | Téléphone | (1-202) 799-7146 |
| Titre | Deputy Administrator | Fax | (1-202) 799-7146 |
| Adresse | Room # 317-E | Courrier électronique | John.Clifford@aphis.usda.gov |
| | Jamie L. Whitten Federal Building 1400 Independence Ave, SW Washington, DC 20250 Washington 20250 | Date d'envoi à l'OIE | 16/12/2014 |

| | | | |
|----------------------------------|--|--|--|
| Type d'animaux | Terrestres | Date du rapport | 16/12/2014 |
| Maladie | Influenza aviaire hautement pathogène | Date de début de l'événement | 10/12/2014 |
| Agent causal | Virus de l'influenza aviaire hautement pathogène | Date de pré-confirmation de l'événement | 14/12/2014 |
| Sérotype(s) | H5N8 | Date de dernière apparition | 2004 |
| Motif | Réapparition d'une maladie appartenant à la liste de l'OIE | Diagnostic | Tests approfondis en laboratoire (i.e. virologie, microscopie électronique, biologie moléculaire, immunologie) |
| Pays ou Zone | une zone ou un compartiment | Signes cliniques | Oui |
| Nombre de foyers notifiés | soumis= 1, Brouillons de rapport= 0 | | |

Détails des foyers

| State | Nombre de foyers | County | Type d'unité épidémiologique | Localisation | Latitude | Longitude | Date de début | Date de clôture |
|---|-------------------------------------|-----------|------------------------------|------------------|----------|-----------|---------------|-----------------|
| WASHINGTON-(ce rapport - envoyé) | - | Whatcom | Ne s'applique pas | Comté de Whatcom | 48.98 | -122.47 | 10/12/2014 | |
| Espèce(s) | Unités de mesure | Sensibles | Cas | Morts | Détruits | Abattus | | |
| Faucon gerfaut:Falconidae(Falco rusticolus) | animaux | ... | ... | ... | ... | ... | | |
| Population atteinte | Faucon gerfaut sauvage en captivité | | | | | | | |

Résumé du foyer : nombre total de foyers = 1 (Soumis)

| Espèce(s) | Sensibles | Cas | Morts | Détruits | Abattus |
|----------------|-----------|-----|-------|----------|---------|
| Faucon gerfaut | | | | | |

Epidémiologie

Autres renseignements épidémiologiques / Commentaires

Par mesure de précaution et en réponse au récent événement d'influenza aviaire hautement pathogène au Canada, la surveillance des établissements avicoles et des événements concernant une mortalité chez des oiseaux sauvages a été renforcée par l'USDA et par le personnel des États tout au long de la frontière États-Unis - Canada. Grâce à cette surveillance, l'influenza aviaire hautement pathogène H5 a été identifiée chez des oiseaux sauvages. Deux sérotypes ont été identifiés lors de la surveillance renforcée, tous les deux avec une séquence d'acides aminés au niveau du site de clivage de l'hémagglutinine compatible avec l'influenza aviaire hautement pathogène, H5N8 et H5N2. H5N8 a été identifié chez un faucon gerfaut sauvage en captivité nourri avec des oiseaux sauvages chassés du comté de Whatcom, Washington, et H5N2 a été identifié chez un canard pilet sauvage également du comté de Whatcom. Sur la base d'un séquençage direct à partir de spécimens de faucon gerfaut, il s'agit du sous-type H5N8 de l'influenza aviaire de la lignée eurasienne (H5 partiel 99% similaire à A/coot/Korea/H81/2014 et N8 partiel 99% similaire à A/Baikal teal/Korea/H41/2014). La séquence d'acides aminés au niveau du site de clivage de l'hémagglutinine est compatible avec l'influenza aviaire hautement pathogène. Les données préliminaires suggèrent que ces souches virales (H5N2 et H5N8) peuvent être liées, la souche H5N8 pouvant être la souche mère; cependant, une analyse plus approfondie est nécessaire. Aucun de ces virus n'a été trouvé chez des volailles aux États-Unis. Ces détections H5N8 et H5N2 ne concernent que les oiseaux sauvages. Une enquête plus poussée et la caractérisation de ces virus de l'influenza aviaire hautement pathogène est en cours.

Source du/des foyer(s) ou origine de l'infection

• Inconnue ou incertaine

Mesure de lutte appliquées

Aucune mesure de lutte

| | |
|------------------------|------------------------------|
| Animaux traités | Vaccination interdite |
| Non | Oui |

Résultats des tests de diagnostics

| Type de laboratoire | Nom du laboratoire | Espèce(s) | Type de test | Date à laquelle les résultats ont été obtenus | Résultat |
|---------------------|--------------------|-----------|--------------|---|----------|
| | | | | | |

| Type de laboratoire | Nom du laboratoire | Espèce(s) | Type de test | Date à laquelle les résultats ont été | Résultat |
|----------------------|--|----------------|----------------------------|---------------------------------------|------------|
| Laboratoire national | Laboratoire des Services vétérinaires nationaux (NVSL) | Faucon gerfaut | séquençage du gène | | En attente |
| Laboratoire national | Laboratoire des Services vétérinaires nationaux (NVSL) | Faucon gerfaut | isolement viral | 15/12/2014 | Positif |
| Laboratoire national | Laboratoire des Services vétérinaires nationaux (NVSL) | Faucon gerfaut | RT-PCR en temps réel | 14/12/2014 | Positif |
| Laboratoire national | Laboratoire des Services vétérinaires nationaux (NVSL) | Faucon gerfaut | épreuve d'hémagglutination | 14/12/2014 | Positif |

Rapports futurs

Cet événement se poursuit. Des rapports de suivi hebdomadaires devront être envoyés.

Carte des foyers

